

SMARTer[®] smRNA-Seq Kit for Illumina[®]

Category: 新一代测序 (NGS)

仅需1 ng总RNA就可以准确且再现性好地进行small RNA测序

特点

- ◆ Illumina[®]平台测序文库制备
- ◆ 适用于多种small RNA (15-150碱基) 解析
 - miRNA • piRNA • siRNA
 - snRNA • snoRNA
- ◆ 1 ng-2 μg总RNA或纯化的小RNA起始
- ◆ 不需接头连接反应，减少偏差。反应时间仅需要3小时*1。

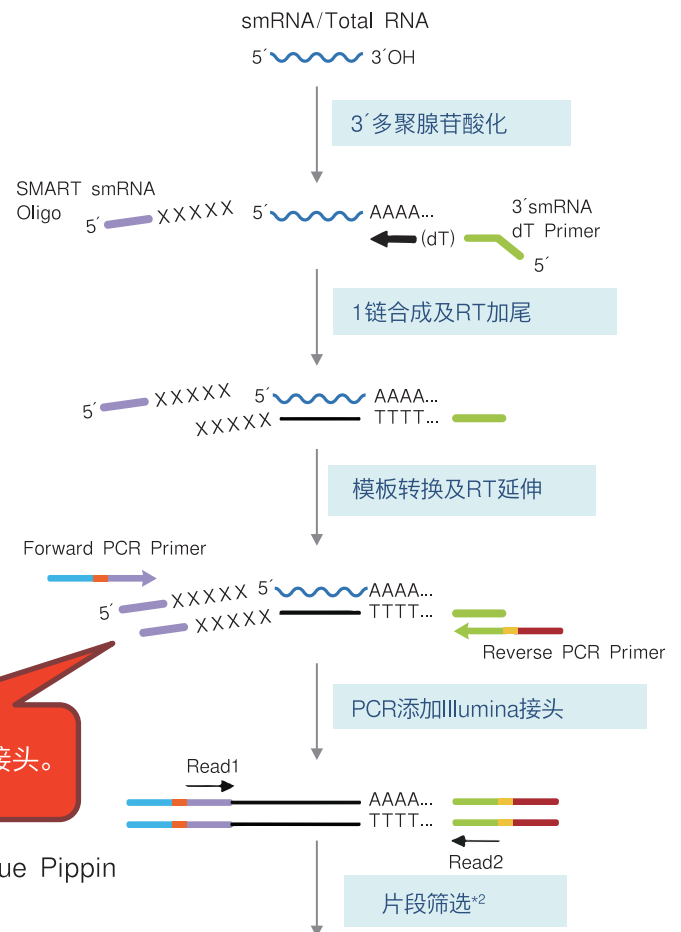
*1: 不包括片段筛选



Point: 使用PCR添加接头。

*2: 片段筛选推荐使用Blue Pippin或者AMPure磁珠

操作步骤概要



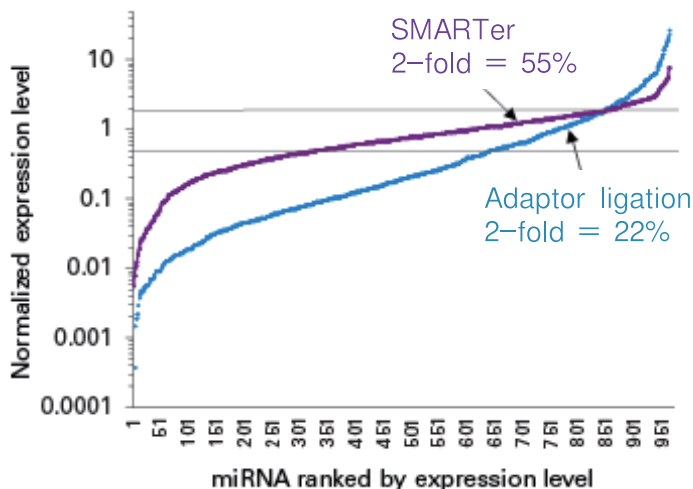
★ Illumina[®]平台测序文库完成 ★

制品名称	包装量	Code No.
SMARTer [®] smRNA-Seq Kit for Illumina [®]	12 Rxns	635029
	48 Rxns	635030
	96 Rxns	635031

注1: 磁珠AMPure XP需要另外准备。
注3: index种类分别为12、48、96。

注2: 进行测序解析时样品中需加入Control RNA(PhiX)。

Small RNA-Seq文库的准确性



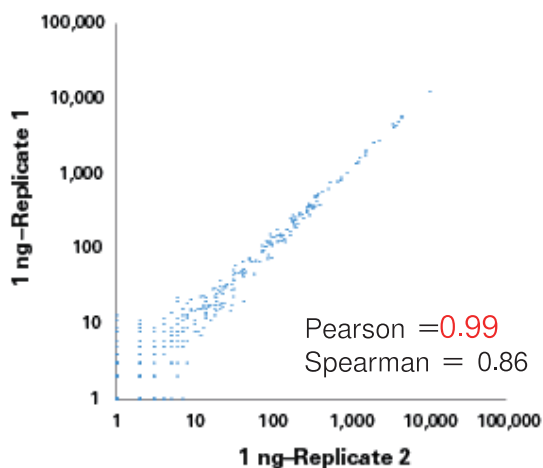
以963种合成miRNA等摩尔混合后制成的miRNA Pool (miRXplore Universal Reference) 为起始样品, 取1ng该混合物使用本kit制备文库(紫), 取100ng该混合物使用其他公司的同类产品(接头连接法)制备文库(蓝), 测序比较两种文库miRNA的表达量。将假想的表达量水平全部设置为1进行均一化, 以上下相差2倍作为cutoff值, 显示了cutoff值范围内的miRNA的表达量的比例。

使用本kit时比例为55%, 使用其他公司同类产品比例为22%, 显示使用本kit可更准确地进行定量。

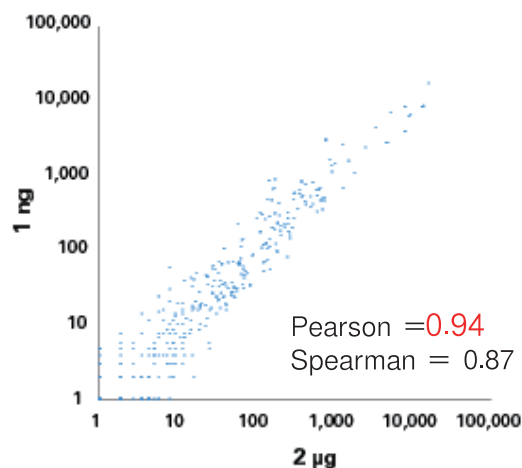
(比较结果来自于Takara Bio USA, Inc.)

数据重复再现性

[A]



[B]



(数据来自于Takara Bio USA, Inc.)

[A]

使用本kit以人脑总RNA起始制备文库, 经BluePippin System进行片段筛选后, 进行miRNA表达解析。结果表明即使使用1ng的微量总RNA, 也可以得到重复再现性良好的解析结果。

[B]

使用与A相同的样品, 分别以1 ng及2 µg总RNA起始制备文库, 进行miRNA表达解析。结果表明不同起始量情况下, 也可以获得重复再现性良好的结果。

- 本宣传页上登载的制品, 都是以科研为目的。请不要用于其它方面, 如: 不要用于人、动物的临床诊断和治疗。也不能用于食品、化妆品及家庭用品等方面。
- 未经本公司许可, 严禁产品的转售·转让、以转售·转让为目的的产品更改、以及用于商品的制造。
- 专利许可及注册商标信息请在本公司网站上确认: <http://www.clontech.com/>。
- 本宣传页上登载的公司名称及制品名称即使没有特殊标注, 使用的也是各公司的商标或注册商标。

宝日医生物技术(北京)有限公司

Takara Biomedical Technology (Beijing) Co., Ltd.

地址: 北京市昌平区科学园路22号(中关村生命科学园内)(P.C.102206)

电话: 010-80720985, 80720986

传真: 010-80720989

E-mail: service@takarabiomed.com.cn

Ver.1 2016年8月印刷 3K