

## In-Fusion克隆常见问题

Q 1. In-Fusion酶作用机理是什么?

A 1. 根据In-Fusion酶特殊的性质,插入片段和载体在同源序列(15个碱基)处融合.这与一般的同源重组是有差异的,因此克隆不再有位置和空间的限制。

Q 2. 同源序列只能附加15 bp吗?

A 2. 经过验证,同源序列少于12个碱基或者多于20个碱基克隆效率都会明显降低.因此推荐附加15 bp同源碱基序列。

Q 3. 如何选择PCR酶?

A 3. 使用任何PCR酶均可。

Q 4. 载体和插入的DNA片段末端结构有限制吗?

A 4. 没有特别的限制.无论是平滑末端、粘性末端或者末端有无A尾均可进行有效的连接反应。

Q 5. 载体和插入的DNA片段的长度有限制吗?

A 5. 没有特别的限制.载体和插入的DNA片段即使超过10 kb也可以进行连接反应,只是连接效率会有所降低.插入的DNA片段只要不少于50 bp就可进行有效的连接反应。

Q 6. 线性化载体末端是否需要去磷酸化处理?

A 6. 线性化载体末端磷酸基团的存在与否不会影响In-Fusion连接效率.因此,不需要对线性化载体进行去磷酸化处理。

Q 7. 使用In-Fusion是否需要获得专利许可?

A 7. 如果盈利单位是用于基础研究,不需要取得专利许可.目前本试剂盒已经受到很多企业和研究人员的青睐。

## 〈In-Fusion® HD Cloning Kit 产品目录〉

In-Fusion克隆选择					
制品名称	Code No.	In-Fusion HD附带制品			
		纯化用试剂	纯化用Column	高效感受态细胞	高保真PCR酶
		Cloning Enhancer	NucleoSpin	Stellar™ Competent Cell	CloneAmp™ HiFi PCR Premix
In-Fusion® HD Cloning Kit	639648/49/50	-	-	-	-
In-Fusion® HD Cloning Kit w/Cloning Enhancer	639633/34/35	✓	-	-	-
In-Fusion® HD Cloning Kit w/NucleoSpin	639639/40/41	-	✓	-	-
In-Fusion® HD Cloning Kit w/Competent Cells	639642/43/44	-	-	✓	-
In-Fusion® HD Cloning Plus	638909/10/11/20	-	✓	✓	✓
In-Fusion® HD Cloning Plus CE	638916/17/18/19	✓	-	✓	✓
In-Fusion® HD Cloning System	639645/46/47/92	-	✓	✓	-
In-Fusion® HD Cloning System CE	639636/37/38/93	✓	-	✓	-

\* In-Fusion® HD EcoDry™ Cloning Kit是一种冻干型(可在室温、干燥器内保存)的In-Fusion HD试剂盒.已分装于microtube中,可立即使用.还有24次量型(8联管×3)和96次量型(96孔板)。

★ 如果您想了解更多相关信息,请登录www.clontech.com进行查询. 该系列产品已取得美国专利(专利号: 7,575,860)和欧洲专利(专利号: EP1741787)。

- 本宣传页上登载的制品,都是以科研为目的.请不要用于其它方面,如:不要用于人、动物的临床诊断和治疗.也不能用于食品、化妆品及家庭用品等方面。
- 未经本公司许可,严禁产品的转售·转让,以转售·转让为目的的产品更改,以及用于商品的制造。
- 专利许可及注册商标信息请在网站上确认: <http://www.clontech.com/>。
- 本宣传页上登载的公司名称及制品名称即使没有特殊标注,使用的也是各公司的商标或注册商标。

## 宝日医生物技术(北京)有限公司

Takara Biomedical Technology (Beijing) Co., Ltd.

技术咨询电话: 4006518761 4006518769

E-mail: [service@takarabiomed.com.cn](mailto:service@takarabiomed.com.cn)

Ver.5 2017年3月制作



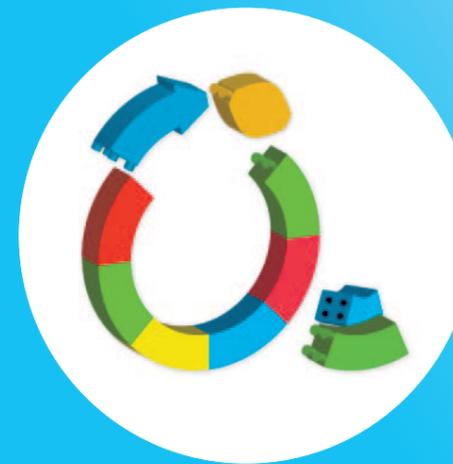
[www.takarabiomed.com.cn](http://www.takarabiomed.com.cn)

## 新一代基因克隆试剂

# In-Fusion® HD Cloning Kit

- 设计随心所欲: 在任意载体任意位点插入任意基因片段
- 真实的表达: 依据15 bp同源序列实现无缝克隆, 消除冗余碱基
- 不只是简单的克隆: 单片段插入, 多片段克隆, 定点突变

that's  
**GOOD**  
science!



Clontech **Takara** cellartis  
[www.takarabiomed.com.cn](http://www.takarabiomed.com.cn)

# In-Fusion<sup>®</sup> HD Cloning Kit

## 更先进更有效的基因克隆技术

In-Fusion克隆技术凭借插入的目的DNA片段与载体末端的15个同源碱基序列就可以完成目的基因的定向克隆，操作简单快速。In-Fusion HD 采用5×预混合酶试剂，大大缩短了反应时间，让您轻松操作。

不受限制性内切酶酶切位点的限制

In-Fusion不受限制性内切酶酶切位点的限制，可以通过PCR方法实现载体线性化，自由地克隆基因。

不附加任何多余序列

In-Fusion克隆不附加多余序列，实现完美的无缝克隆，是构建表达载体的理想选择。

In-Fusion反应仅需15分钟

快速!

传统的In-Fusion反应时间为30分 (37°C 15分 + 50°C 15分)，而In-Fusion HD只需50°C 15分即可完成。

更加简便的操作流程

简便!

只需将纯化后的目的片段和线性化载体与5×预混合酶试剂相混合即可，使用更加简便。

高效的克隆技术

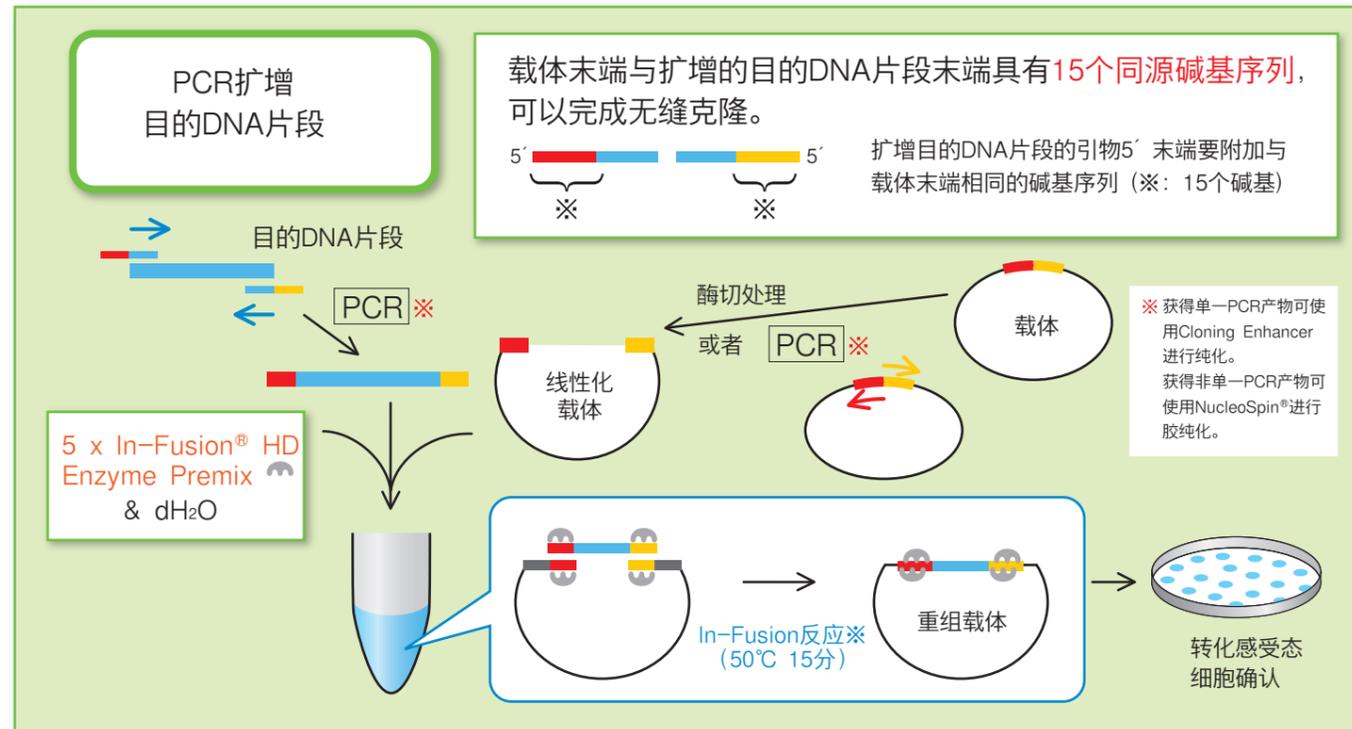
In-Fusion克隆无需进行亚克隆的繁琐操作，可以实现更高效的基因克隆。

可同时克隆两个或多个DNA片段

In-Fusion无需特定载体和宿主细胞，便可同时完成两个或多个片段的定向克隆，最长可以克隆15 kb的片段。

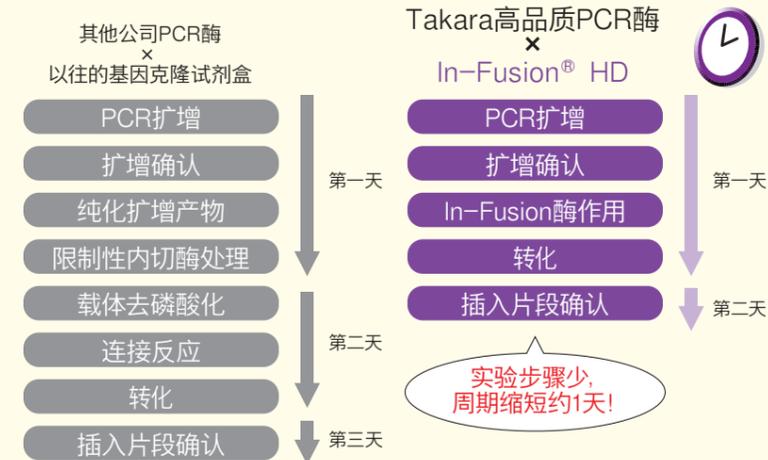
### In-Fusion基因克隆方法概述

※ In-Fusion引物设计，您可以利用In-Fusion Primer Design Tool在线支持工具。



※注: EcoDry™冻干粉形式反应时间为37°C15分 + 50°C15分。

Takara高品质PCR酶与In-Fusion<sup>®</sup> HD Cloning Kit配套使用，可以实现更快速的基因克隆。

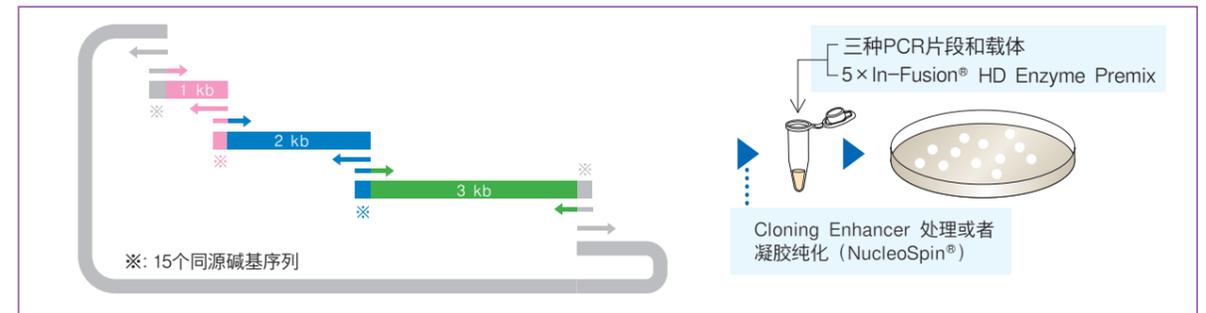


目的DNA片段无需经过限制性内切酶酶切处理，在In-Fusion酶作用下便可直接定向克隆到载体中。将PCR扩增得到的目的DNA片段和线性化载体相混合，加入In-Fusion酶孵育(15分钟)，便可完成目的DNA片段的定向克隆，In-Fusion反应液无需稀释可直接转化大肠杆菌。\*

\* 通过限制性内切酶酶切获得线性化载体，无须进行去磷酸化处理。

### 实例: 多个DNA片段 (1 kb, 2 kb, 3 kb) 同时克隆

【方法】 使用Takara高品质PCR酶分别扩增1 kb、2 kb、3 kb的目的DNA片段和2.7 kb的载体，并将扩增产物混合，使用In-Fusion<sup>®</sup> HD试剂盒完成克隆。利用高效率的感受态细胞Stellar<sup>™</sup> Competent Cells (产品编号: 636763) 转化并进行蓝/白斑筛选。



【结果】 随机挑选10个克隆进行菌落PCR验证，其中7个克隆正确插入了目的片段 (1 kb+2 kb+3 kb)。

插入片段长度	克隆数 (1/5涂菌量)	阳性克隆数
1 kb+2 kb+3 kb	192	7/10

Cloning Enhancer用于在In-Fusion连接反应之前对PCR产物进行预处理! 无需对PCR产物进行纯化，避免了纯化过程造成的样品损失。

- 通过限制性内切酶酶切实现载体线性化: →在PCR反应液中加入Cloning Enhancer孵育37°C 15分+80°C 15分
- 通过PCR扩增实现载体线性化: →Cloning Enhancer处理和In-Fusion连接反应在同一个反应管中同时进行，孵育37°C 15分+50°C 15分

### In-Fusion 基因克隆技术已经广泛应用于企业和研究机构!

- CRISPR系统, In-Fusion<sup>®</sup> HD Cloning Kit用于Cas9表达载体构建的应用实例  
CRISPR-Mediated Modular RNA-Guided Regulation of Transcription in Eukaryotes  
Gilbert LA. *et al.*, *Cell*, (2013) Jul 18; 154(2):442-451.
- 高通量4分子分析, In-Fusion<sup>®</sup> HD Cloning Kit用于质粒库构建的应用实例  
High-throughput tetrad analysis.  
Ludlow CL. *et al.*, *Nat Methods*, (2013) Jul; 10(7):671-675



★ 登陆我们的网站查询其他相关文献。